



LES RENCONTRES DE STATISTIQUE APPLIQUÉE¹

Palette d'applications sous R

Jeudi 28 avril 2011 de 9h15 à 17h30

Institut Henri Poincaré (amphithéâtre Hermite)

Bibliographie

Élisabeth Morand (Ined) et Jérôme Sueur (MNHN, UMR CNRS 7205 OSEB Paris)
Introduction de la séance

Blogs sur R. <http://www.r-bloggers.com/>

Liste utilisateur R. <http://forums.cirad.fr/logiciel-R/index.php?sid=e385e1f16e78ffa56b0e63af7516a13f>

RUG semin-R. <http://rug.mnhn.fr/semin-r/>

Liste R pour sociologues. <https://listes.cru.fr/sympa/info/r-soc>

Fox John. 2009. Aspects of the Social Organization and Trajectory of the R Project. *The R journal*, 1/2 p. 5-13.

Maxime Hervé (UMR INRA - Agrocampus Ouest - Univ. Rennes I BiO3P)
Débuter avec R

Barnier Julien. R pour les sociologues (et assimilés). Groupe de Recherche sur la Socialisation CNRS- UMR 5040. http://cran.r-project.org/doc/contrib/Barnier-intro_R.pdf

Genolini Christophe. Lire ; Compter ; Tester... avec R - Préparation des données / Analyse univariée / Analyse bivariée. <http://cran.r-project.org/doc/contrib/Genolini-LireCompterTesterR.pdf>

Hervé Maxime. 2011. Aide - mémoire de statistique appliquée à la biologie - Construire son étude et analyser les résultats à l'aide du logiciel R. <http://cran.r-project.org/doc/contrib/Herve-Aide-memoire-statistique.pdf>.

¹Institut Henri Poincaré • 11 rue Pierre et Marie Curie • 75231 Paris cedex 05 • Tél. 33 (0)1 44 27 66 60

Paradis Emmanuel. R pour les débutants. Institut des Sciences de l'Evolution - Université Montpellier II.
http://cran.r-project.org/doc/contrib/Paradis-rdebuts_fr.pdf

Poinsot Denis. 2005. R pour les Statophobes. Rennes I . <http://perso.univ-rennes1.fr/denis.poinsot/Statistiques%20pour%20statophobes/R%20pour%20les%20statophobes.pdf>

Robinson Andrew, Schloesing Arnaud. 2008. Brise Glace-R. Department of Mathematics and Statistics, University of Melbourne Centre Intégré de Bioinformatique, Université Lille II.
http://cran.r-project.org/doc/contrib/IceBreak_fr.pdf.

**Jérôme Sueur (MNHN, UMR CNRS 7205 OSEB Paris)
Optimiser ses représentations graphiques**

Murrell P. 2005. *R graphics*. London, Chapman & Hall / CRC, 301 p.

Wickman Hadley. 2009. *Ggplot2. Elegant Graphics for Data Analysis*. 2nd Printing, Springer, VIII, 216 p. (Use R).

Wilkinson Leland. 2005. *The Grammar of Graphics*. 2nd printing, Springer, XVIII, 694 p. (Statistics and Computing).

**Raymond Baudoin (MNHN, Inventaire et Suivi de la Biodiversité - Paris)
Accéder à une base de données**

iAnywhere. Sybase. Adaptive Server Anywhere Guide de l'utilisateur SQL
http://www.iAnywhere.com/developer/product_manuals/sqlanywhere/0901/fr/html/

**Christophe Genolini (Univ. Paris X)
Créer son propre package R**

Baillargeon Sophie. 2006. Programmation en R : incorporation de code C et création de packages. Université de Laval.
http://www.mat.ulaval.ca/fileadmin/informatique/LogicielR/ProgR_AppelC_Package.pdf

Genolini Christophe. 2010. Petit traité de programmation orientée objet sous R.

Genolini Christophe. R, Bonnes pratiques. R. <http://cran.r-project.org/doc/contrib/Genolini-RBonnesPratiques.pdf>

Genolini Christophe. Construire un Package Classic et S4. R.
<http://cran.r-project.org/doc/contrib/Genolini-ConstruireUnPackage.pdf>

**Gilbert Ritschard et Alexis Gabadinho (Département d'Econométrie et Laboratoire de
Démographie et d'Etudes Familiales de l'Université de Genève)
L'analyse de séquences dans R avec la librairie TraMineR**

TraMineR sequence analysis in R. <http://mephisto.unige.ch/traminer/>

Gabadinho Alexis, Ritschard Gilbert, Studer Matthias, Müller Nicolas. 2011. Analyzing and visualizing state sequences in R with TraMineR. *Journal of Statistical Software*, 40 (4), p. 1-37.

Studer Matthias, Ritschard Gilbert, Gabadinho Alexis, Müller Nicolas. 2011 (sous presse). Discrepancy Analysis of State Sequences. *Sociological Methods and Research*.

**Yves Tillé (Institut de statistique, Univ. de Neuchâtel)
Sondages avec le package Samplig**

Tillé Yves. 2006. *Sampling Algorithms*. Springer Series in Statistics.

**Franck Picard (CNRS, laboratoire Biométrie et Biologie Evolutive)
Modèles de détection de ruptures et applications avec le logiciel R**

Lavielle Marc. 2006. Detection of multiple change-points in multiple time-series. *Lithuanian Mathematical Journal*, 46 (4), p. 351-376.

Lavielle Marc. 2005. Using penalized contrasts for the change-point problem. *Signal Processing*, 85, p. 1501-1510.

Lebarbier E. 2005. Detecting multiple change-points in the mean of Gaussian process by model selection. *Signal Processing*, 85 (4), p. 717-736.

Mestre Olivier. 2000. Méthodes statistiques pour l'homogénéisation de longues séries climatiques. Thèse de doctorat, Paul-Sabatier (Toulouse III).

Olshen AB, Venkatraman ES, Lucito R, Wigler M. 2004. Circular binary segmentation for the analysis of array-based DNA copy number data. *Biostatistics*, 5 (4), p. 557-572.

Picard Franck, Lebarbier E., Budinska E, Robin S. 2011. Joint segmentation of multivariate Gaussian processes using mixed linear models. *Computational Statistics and Data Analysis*, 55, p. 1160-1170.

Picard Franck, Lebarbier E., Hoebeke M., Rigai G., Thiam B., Robin S. 2011. Joint segmentation calling and normalization of multiple CGH profiles. *Biostatistics Advance Access*, p. 1-16.

Picard Franck, Robin S., Lavielle Marc, Vaisse C., Daudin J.-J. 2005. A statistical approach for array CGH data analysis. *BMC Bioinformatics*, 6, p. 1-14.

Rigai Guillem. 2010. Pruned dynamic programming for optimal multiple change-point detection.

Zhang NR, Siegmund DO. 2007. A modified bayes information criterion with applications to the analysis of comparative genomic hybridization data. *Biometrics*, 63 (1), p. 22-32.